

ژن مقاوم به متی سیلین و موپیروسین در استافیلوکوکوس اورئوس جدا شده از پرسنل بیمارستان شهرستان داراب با روش Multiplex PCR

نویسنده:

هوشنگ جمالی*

۱- بخش میکروبیشناسی، دانشگاه آزاد اسلامی جهرم، جهرم، ایران

Pars Journal of Medical Sciences, Vol.17, No.3, Fall 2019

چکیده:

مقدمه: استافیلوکوکوس اورئوس مقاوم به متی سیلین (Methicillin-Resistant Staphylococcus aureus (MRSA) و موپیروسین از پاتوژن های مهم بیمارستانی می باشد. یکی از منابع مهم این ارگانسیم در عفونت بیمارستانی، پرسنل بیمارستان می باشند. هدف این تحقیق تعیین فراوانی ژن مقاوم به متی سیلین و موپیروسین در استافیلوکوکوس اورئوس جدا شده از پرسنل بیمارستان با روش Multiplex PCR می باشد.

روش کار: در این مطالعه ۱۵۰ نفر از پرسنل بیمارستان مورد بررسی گردیدند و نمونه استافیلوکوکوس اورئوس جدا شده از آنها با روش های بیوشیمیایی و میکروبی تایید شدند. جهت تعیین میزان حساسیت سویه ها نسبت به آنتی بیوتیک متی سیلین و موپیروسین از روش دیسک دیفیوژن استفاده شد. سپس، حضور ژن های *mec A*، *mup* و *nuc* با استفاده از Multiplex PCR بررسی شد.

یافته ها: از بین ۱۵۰ فرد مورد مطالعه، ۱۲۰ نفر (۸۰٪) زن بودند. در مجموع ۵۳ نفر (۳۵٪/۳) ناقل استافیلوکوکوس اورئوس بودند که ۴۲ نفر زن و ۱۱ نفر مرد بودند. از ۱۱ ایزوله جدا شده از مردان، ۴ مورد مقاوم به متی سیلین بودند و هیچ کدام به موپیروسین مقاوم نبودند. از ۴۲ ایزوله جدا شده از زنان، ۱۱ مورد مقاوم به متی سیلین و ۲ مورد مقاوم به موپیروسین بودند. با استفاده از روش مولکولی، تعداد ۱۱ ایزوله (۹٪/۵) دارای ژن *mecA* بودند و هیچ سویه ای دارای ژن *mup* نبودند.

نتیجه گیری: شیوع استافیلوکوکوس اورئوس مقاوم به متی سیلین و موپیروسین میان پرسنل بیمارستان داراب، نسبتاً کم بود. با اینحال کنترل دائمی ناقلین و درمان آنها می تواند از اشاعه این باکتری و عفونت های حاصل از آن جلوگیری نماید.

واژگان کلیدی: استافیلوکوکوس اورئوس، متی سیلین، موپیروسین، Multiplex PCR، مقاومت آنتی بیوتیکی

Pars J Med Sci 2019;17(3):35-42

مقدمه:

گذشته عفونت های در بیمارستان های کشورهای صنعتی و پیشرفته نظیر ایالات متحده و اروپا و نیز کشورهای در حال توسعه به صورت آندمیک در آمده اند. در ایالات متحده سالیانه از هر دو میلیون عفونت بیمارستانی، ۲۶۰۰۰۰ مورد به علت استافیلوکوکوس اورئوس است. متأسفانه در بین آنها درصد سویه های مقاوم به متیسیلین رو به فزونی هستند [۳]، در مطالعه دیگری در آمریکا که در سال های ۲۰۰۴ تا ۲۰۰۵ انجام شد شیوع سویه های MRSA در مناطق مختلف بین ۱۰ تا ۴۹ درصد

استافیلوکوکوس اورئوس (Methicillin-Resistant (MRSA) Staphylococcus aureus کوکوسی گرم مثبت می باشد که در زیر میکروسکوپ ظاهری شبیه به خوشه انگور و کلنی های درشت و زرد رنگ در محیط کشت تولید می کند. استافیلوکوکوس اورئوس به طور معمول از پوست و بینی افراد سالم جدا می شود اما ممکن است به طور معمول از دیگر نواحی آناتومیک بدن مثل دهان و دستگاه گوارش جدا شود. این باکتری یکی از عوامل عمده عفونت های بیمارستانی محسوب می شود [۲، ۱]؛ که طی ۴۰ سال

* نویسنده مسئول، نشانی: دانشگاه آزاد اسلامی جهرم، بخش میکروبیشناسی، جهرم، ایران.

تلفن تماس: ۰۹۱۷۱۳۱۱۳۱۹

پست الکترونیک: h.jamali1970@gmail.com

دریافت: ۱۳۹۷/۸/۲

اصلاح: ۱۳۹۸/۱۰/۱۷

پروتئین اتصالی پنی‌سیلین (PBP2a) کد شده توسط ژن‌های *mecA* می‌باشد که بر روی کست کروموزومی استافیلوکوک (*sec*) قرار دارد. انواع مختلفی از کست‌های *mecA* به طور وسیعی توسط تکنیک‌های PCR مطالعه شده‌اند و مکانیسم مقاومت شامل تغییرات یا نقص‌های ایجاد شده توسط موتاسیون بر روی ژن *mecA* می‌باشد که منجر به مقاومت ارگانیزم به آنتی‌بیوتیک‌ها می‌گردد. این ژن‌ها بسیار در میان گونه‌های استافیلوکوک مقاوم هستند [۱۶]. موپروسین یک آنتی‌بیوتیک موضعی است که از جداسازی *Trna* سنتتاز باکتریایی جلوگیری می‌کند و تشکیل ایزولوسیل *Trna* را متوقف می‌کند. کاربرد جهانی موپروسین به طور وسیعی در زدودن کلنی زاسیون *S. aureus* می‌باشد و به عنوان ابزاری برای ممانعت از عفونت استافیلوکوکی مرتبط با توجه به سلامت به کار می‌رود همچون عفونت ناحیه جراحی و عفونت عروق خونی در بیماران تحت همودیالیز با افزایش *MRSA* مرتبط با جمعیت موپروسین اکنون به عنوان حاملین در ممانعت از عفونت‌های رایج و قطع شیوع عفونت پوست مرتبط با *MRSA* به کار می‌رود [۱۷]. به دلیل بیان غیریکنواخت ژن *mecA* تست‌های تشخیص دقیق باکتری و مقاومت به متی‌سیلین با مشکل رو به رو می‌شوند، لذا لازم است جهت تشخیص دقیق و کنترل بیماری روش‌های دقیق، سریع و اختصاصی‌تر همانند PCR استفاده شود که بر اساس تکثیر ژن *mecA* عمل می‌کند [۱۳]. موپروسین (*pseudomonic acid A*) مشابه به اسید آمینه ایزولوسین است و با به کار بردن آن از فعال شدن این اسید آمینه توسط ایزولوسیل *tRNA* سنتتاز کد شده و به وسیله ژن *ileS* کروموزومی ممانعت می‌شود و در نتیجه پروتئین‌سازی باکتری مهار می‌گردد [۱۸]. بنابراین با توجه به الگوی متفاوت مقاومت آنتی‌بیوتیکی در هر منطقه هدف از این مطالعه بررسی فراوانی ناقلین بدون علامت استافیلوکوکوس اورئوس مقاوم به متی‌سیلین و موپروسین به روش Multiplex PCR در بین کارکنان بیمارستان داراب می‌باشد.

روش کار:

در این مطالعه که به صورت مقطعی توصیفی انجام گردید. در مدت ۶ ماه و بر اساس مطالعات پیشین ۱۵۰ نفر از پرسنل بیمارستان شهرستان داراب انتخاب و از نظر مقاوت آنتی‌بیوتیکی باکتری استافیلوکوکوس اورئوس مورد بررسی قرار گرفتند. بدین صورت که نمونه‌گیری با استفاده از سوآپ استریل از قسمت قدامی بینی این افراد انجام شد و سوآپ هر فرد در محیط تریپل سوی براث قرار گرفت. سپس نمونه‌ها کمتر از ۲ ساعت به آزمایشگاه انتقال و به مدت ۴۸-۷۲ ساعت در دمای ۳۷ درجه سانتیگراد روی محیط مانیتل سالت آگار انکوبه شدند. پس از رشد

گزارش گردید [۴-۶]، این معضل گریبان گیر کشور ما نیز هست، به طوری که طی تحقیقی نشان داده شد که ۳۸/۶ درصد استافیلوکوک‌های جدا شده از بیماران بستری در بیمارستان‌های دکتر شریعتی و مرکز طبی کودکان تهران را سویه‌های *MRSA* تشکیل می‌دهند [۷]؛ همچنین شیوع ناقلین استافیلوکوکوس اورئوس در پرسنل مراکز درمانی شهر گرگان ۲۴ درصد می‌باشد و شیوع استافیلوکوک اورئوس مقاوم به متی‌سیلین ۳ درصد می‌باشد [۸]. صادری و همکارانش در سال ۲۰۰۴ مطالعه‌ای انجام دادند و به این نتیجه دست یافتند که، مقاومت به موپروسین از ۵٪ به ۷/۳٪ در بیماران رسیده است [۹].

اساس طبقه‌بندی استافیلوکوکوس‌ها آنزیم کوآگولاز می‌باشد. شیوع فراوان مقاومت آنتی‌بیوتیکی در استافیلوکوک اورئوس و سایر گونه‌های استافیلوکوکی به دلیل انتقال افقی ژن‌ها (ژن‌های مقاومت‌های آنتی‌بیوتیکی و بیماری‌زایی) است. مطالعات اخیر نشان می‌دهند که انتقال افقی ژن در استافیلوکوک‌ها بیش از آن چیزی است که قبلاً تصور می‌شد [۲]. استافیلوکوکوس اورئوس به تمامی انواع پادزیست‌های شناخته شده کاربردی مانند بتالاکتام‌ها، گلیکوپپتیدها، آمینوگلیکوزیدها، کوئینولون‌ها و غیره مقاومت کسب نموده است و یا در حال مقاوم شدن می‌باشد [۱۱]. استافیلوکوکوس اورئوس مقاوم به متی‌سیلین در گذشته محدود به بیمارستان‌ها بود و اصطلاحاً به این سویه‌ها، سویه‌های مقاوم به متی‌سیلین کسب شده از بیمارستان *hospital-acquired (HA-MRSA)* اطلاق می‌گردید [۱۱]. با ظهور سویه‌های مقاوم به متی‌سیلین در سطح جامعه اهمیت مقاومت به متی‌سیلین دارای اهمیت دو چندان شده است. سویه‌های مذکور که اصطلاحاً سویه‌های مقاوم کسب شده از جامعه *Community-associated (MRSA, CA-MRSA)* نامیده می‌شود به متی‌سیلین مقاوم بوده ولی الگوی حساسیت دارویی این سویه‌ها نسبت به پادزیست‌های دیگر غیر از بتالاکتام‌ها، همانند سویه‌های استافیلوکوکوس اورئوس حساس به متی‌سیلین (*Methicillin-sensitive Staphylococcus aureus, MSSA*) می‌باشد [۱۲]. سویه‌های *CA-MRSA* غالباً آبسه‌های پوستی، فورنکولوزیس، پنومونی نکروز دهنده شدید و شوک ایجاد می‌نمایند [۱۳]. مطالعه میزان شیوع کلونیزاسیون استافیلوکوکوس اورئوس مقاوم به متی‌سیلین در کشورهای در حال توسعه که از سطح بهداشت بالایی برخوردار نیستند، بدلیل ایجاد عفونت‌های پوستی و بافت نرم اهمیت بالایی دارد [۱۴]. مقاومت نسبت به پنی‌سیلین در سویه‌های استافیلوکوکوس اورئوس، یک سال پس از کشف آن توسط ریمل کمپ گزارش شد [۱۵]. این مقاومت در رابطه با آنزیم بتالاکتاماز بوده که ژن آن در پلاسمید مربوطه کد شده است. مخاط بخش قدامی حلق و بینی محل اصلی استقرار ارگانیزم است. مقاومت در *MRSA* به دلیل بیان

مواد پس از ذوب شدن یخ، ورتکس و میکروفیوژ شده و بر روی ظرف یخ منتقل گردیدند. پس از تهیه مخلوط واکنش، آن را ورتکس و میکروفیوژ کرده و در حجم های ۴۵ میکرولیتری در میکروتیوب های ۰/۲ میلی لیتری تقسیم گردید و در نهایت در خارج از اتاق PCR و در زیر هود استریل، ۵ میکرولیتر از هر یک از نمونه های DNA استخراج شده به هر میکروتیوب اضافه گردید. ۵ میکرولیتر از آب دو بار تقطیر دیونیزه نیز به عنوان کنترل منفی به میکروتیوب کنترل منفی اضافه شد. همچنین برای جداسازی ژن با استفاده از پرایمر های ذکر شده از غلظت های مختلف یون Mg و دماهای مختلف اتصال پرایمر به الگو جهت تعیین شرایط بهینه واکنش استفاده گردید (جدول ۱).

تهیه مخلوط Multiplex PCR برای شناسایی همزمان

ژن های nuc, mec-a, mup

در PCR ژن های مورد نظر بصورت مجزا با غلظت 1.5mM یون Mg و دمای اتصال پرایمر به الگو ۶۰ درجه سانتی گراد انتخاب گردید. به همین خاطر برای جداسازی ژنهای مورد نظر بطور همزمان با استفاده از پرایمر های ذکر شده تنها از یک غلظت یون Mg استفاده شد اما دماهای مختلف اتصال پرایمر به الگو جهت تعیین شرایط بهینه واکنش استفاده گردید. DNA استخراج شده از باکتری مقاوم با روش جوشاندن به عنوان DNA الگو جهت تکثیر قطعات مورد نظر بطور همزمان در واکنش زنجیره ای پلیمرز مورد استفاده قرار گرفت. در این مرحله ارزیابی و مشاهده ی محصولات PCR صورت گرفت، برای بررسی محصولات از روش الکتروفورز بر روی ژل آگارز استفاده گردید. با قرار دادن ژل در دستگاه UV illuminator و به کمک اشعه ماوراء بنفش با طول موج ۲۵۴ نانومتر، موقعیت و کیفیت باندها قابل مشاهده و بررسی گردید (شکل ۱). با استفاده از نسخه نوزدهم نرم افزار SPSS و آزمون های (Binomial)، مربع کای (Pearson Chi-Square) و دقیق فیشر (Fisher's Exact Test) داده ها آنالیز شدند. مرز معنی داری در P کوچکتر از ۰/۰۵ قرار داده شد.

باکتری ها، با استفاده از تست های تشخیصی رنگ آمیزی گرم، تست کاتالاز، آزمایش کواگولاز، تست DNase، باکتری تعیین هویت گردید.

شناسایی مقاومت به موپروسین و متی سلین:

تست حساسیت به آنتی بیوتیک ها به روش دیسک دیفیوژن (Kirby-Bauer) انجام شد. به این صورت که از محیط مولر هینتون آگار و سوسپانسیون باکتریایی با کدورت نیم مک فارلند انجام شد و برای تعیین مقاومت به متی سلین و موپروسین و سایر آنتی بیوتیک ها با استفاده از راهنمای CLSI انجام شد. دیسک ها با پنس استریل با رعایت فاصله مناسب از یکدیگر روی محیط مولر هینتون آگار قرار داده شد و سپس به مدت ۲۴ ساعت در انکوباتور 37C قرار داده شد، سپس قطر ناحیه مهار رشد باکتری اندازه گیری شد و پس از مقایسه با جدول استاندارد [۸]، به سه صورت مقاوم، نیمه حساس و حساس دسته بندی و گزارش شد.

استخراج DNA به روش جوشاندن:

پس از شناسایی باکتری استفیلوکوکوس اورئوس، DNA باکتری با استفاده از روش جوشاندن (Boiling) استخراج گردید. این روش آسان، سریع و ارزان می باشد. با این روش با متلاشی شدن باکتری تمام محتویات سلول از جمله DNA و پلاسمید از باکتری خارج می شود با ساتریفیوژ کردن لاشه باکتری رسوب و DNA بصورت محلول باقیمانی ماند از این محلول حاوی DNA جهت انجام واکنش PCR می توان استفاده نمود.

روش های مولکولی:

پس از شناسایی استفیلوکوکوس اورئوس مقاوم به متی سلین و موپروسین، ابتدا با استفاده از واکنش PCR مراحل set up آزمایش انجام و بهینه سازی صورت گرفت. سپس با استفاده از Multiplex PCR ژن های nuc, mec-A, mup به طور همزمان تکثیر شدند.

تهیه مخلوط PCR برای ژن های nuc, mec-a, mup

مراحل تهیه مخلوط PCR در محفظه عاری از DNA و RNA (DNA-Free, RNA-Free) انجام گردید. بدین ترتیب که تمام

جدول ۱: پرایمرهای بکار رفته جهت انجام PCR

mec (F)	5'-GTAGAAATGACTGAACGTCCGATAA-3'
mec (R)	5'-CCAATTCACATTGTTTCGGTCTAA-3'
mup (F)	5'-TATATTATGCGATGGAAGTTGG-3'
mup (R)	5'-AATAAAATCAGCTGGAAGTGTG-3'
Nuc (F)	5'-GCGATTGATGGTGATACGGTT-3'
Nuc (R)	5'-AGCCAAGCCTTGACGAACATAAAGC-3'



شکل ۱: نتیجه الکتروفورز محصولات Multiplex PCR برای هر سه ژن برای کل نمونه‌ها

یافته‌ها:

از ۱۵۰ نفر افراد مورد مطالعه، ۱۲۰ نفر (۸۰٪) زن بودند. در کل ۵۳ نفر (۳۵٪/۳) ناقل استافیلوکوکوس اورئوس بودند که ۴۲ نفر از آنها زن بودند (جدول ۲). در کل ۱۵ ایزوله (۲۸٪/۳) مقاوم به متی سیلین و ۲ ایزوله (۳٪/۸) مقاوم به موپروسین بودند. در مردان ۴ ایزوله (۳۶٪/۴) مقاوم به متی سیلین بودند و هیچ کدام به موپروسین مقاوم نبودند. ولی در زنان، ۱۱ ایزوله (۲۶٪/۲) مقاوم به متی سیلین و ۲ ایزوله

از ۱۵۰ نفر افراد مورد مطالعه، ۱۲۰ نفر (۸۰٪) زن بودند. در کل ۵۳ نفر (۳۵٪/۳) ناقل استافیلوکوکوس اورئوس بودند که ۴۲ نفر از آنها زن بودند (جدول ۲). در کل ۱۵ ایزوله (۲۸٪/۳) مقاوم به متی سیلین و ۲ ایزوله (۳٪/۸) مقاوم به موپروسین بودند. در مردان ۴ ایزوله (۳۶٪/۴) مقاوم به متی سیلین بودند و هیچ کدام به موپروسین مقاوم نبودند. ولی در زنان، ۱۱ ایزوله (۲۶٪/۲) مقاوم به متی سیلین و ۲ ایزوله

جدول ۲: فراوانی نسبی پرسنل دارای استافیلوکوکوس اورئوس بر اساس جنسیت

نمونه جنسیت	استافیلوکوکوس اورئوس	غیره	کل
زن	۴۲ (۳۵٪)	۷۸ (۷۵٪)	۱۲۰ (۸۰٪)
مرد	۱۱ (۳۶٪)	۱۹ (۶۳٪)	۳۰ (۲۰٪)
کل	۵۳ (۳۵٪)	۹۷ (۶۴٪)	۱۵۰ (۱۰۰٪)

جدول ۳: فراوانی ژن مقاوم به متی سیلین و موپروسین در استافیلوکوکوس اورئوس بر اساس جنسیت

نوع دارو جنسیت	متی سیلین	موپروسین	غیره	کل
ایزوله (زن)	۱۱ (۲۶٪)	۲ (۴٪)	۳۹ (۶۹٪)	۴۲ (۷۹٪)
ایزوله (مرد)	۴ (۳۶٪)	۰ (۰٪)	۷ (۶۳٪)	۱۱ (۲۰٪)
کل	۱۵ (۲۸٪)	۲ (۳٪)	۳۶ (۶۷٪)	۵۳ (۱۰۰٪)

بحث:

شناسایی سویه های مقاوم پیشنهاد شده از جمله دیسک دیفیوژن، تعیین MIC و روش PCR [۲۰، ۱۹]. نتایج تحقیق حاضر با مطالعه

مقاومت استافیلوکوکوس اورئوس به موپروسین در بسیاری از کشورها مورد مطالعه قرار گرفته است و روش های مختلفی برای

استافیلوکوکوس اورئوس مقاوم به متیسیلین، حساس به متیسیلین و همچنین استافیلوکوک‌های کوآگولازمنفی درسراسر دنیا و از جمله ایران صورت گرفته است. با توجه به در دسترس بودن موپروسین از سال ۱۹۸۶، افزایش ثابت در میزان مقاومت به موپروسین از سال ۱۹۹۰ به بعد مشاهده شده است [۲۵]. حسامی و همکاران در بررسی ۱۱ سویه مقاوم به روش فنوتیپی مشخص نمودند که، در یک سویه مقاومت پایین در E-test ژن *mupA* - ۱ و در ۴ سویه که مقاومت بالا را نشان دادند، ژن *mupA* شناسایی گردید که نشان دهنده حضور پلاسمید حاوی ژن *mupA* در این سویه‌های مقاوم است [۲۶]. نتایج مطالعه حاضر نیز حضور ژن *mupA* را در گونه‌های با مقاومت بالا را نشان داد. در سال ۲۰۱۳، Jayakumar و همکارانش نیز این سه گروه از سویه‌ها را مورد بررسی قرار دادند؛ در این مطالعه از مجموع ۱۵۰ سویه، ۳/۳ درصد از سویه‌ها مقاوم به موپروسین شناخته شدند؛ که تا حدودی نزدیک به نتایج مقاومت به موپروسین در زنان مورد مطالعه حاضر می‌باشد. در مطالعه مهاجری که در سال ۲۰۱۲ بر روی سویه‌های استافیلوکوک‌های شناسایی مقاومت به موپروسین انجام شد، هیچ نوع مقاومتی به موپروسین شناسایی نشده است و این آنتی‌بیوتیک به دلیل عدم وجود مقاومت در شهر کرمانشاه همانند شهر اراک قابلیت استفاده دارد [۲۷]. عواملی می‌تواند روی میزان شیوع استافیلوکوک‌های مقاوم به موپروسین در کشورهای مختلف از جمله ایران مؤثر باشد، این موارد شامل سیاست‌های مختلف در اجرای برنامه کنترل عفونت، میزان و چگونگی تجویز آنتی‌بیوتیک، جمعیت، سویه غالب و در نهایت به نوع متدولوژی آزمایشگاهی جهت تشخیص استافیلوکوک‌های مقاوم به موپروسین بستگی دارد [۲۸] و به طور خلاصه با توجه به نقش مؤثر آنتی‌بیوتیک موپروسین براغلب کوکوس‌های گرم مثبت این آنتی‌بیوتیک از اهمیت به سزایی در درمان بیماران و ناقلین برخوردار است. لذا بررسی مقاومت در آنها می‌تواند راه مؤثری جهت انتخاب درمان مناسب در این گونه عفونت‌ها باشد [۱۸].

این مطالعه که در مدت شش ماه برای اولین بار در بیمارستان شهر داراب بر روی پرسنل بیمارستان انجام گردیده با سایر مطالعات دیگر در همین زمینه همخوانی داشته چنانچه در این مطالعه نیز بیان شده که در گونه‌های مقاوم به متی‌سیلین نیز ژن *mupA* شناسایی شده و همچنین استفاده از روش‌های مولکولی به منظور درک بهتر و شناسایی مؤثرتر این باکتری‌ها توصیه می‌شود، بنابراین نتایج تحقیق حاضر می‌تواند مورد استفاده پزشکان برای انتخاب تدابیر مناسب در جهت درمان و کنترل عفونت‌های بیمارستانی با سویه‌های MRSA قرار بگیرد. همچنین این نتایج می‌تواند دانش پایه در زمینه میکروب شناسی و

Martinez و همکاران که نشان دادند سویه‌های CA-MRSA به بیشتر آنتی‌بیوتیک‌ها مانند کلیندامایسین و تری‌متوپریم سولفامتوکسازول حساس می‌باشند؛ همسو می‌باشد [۲۱]. همچنین در مطالعات مختلف که در آن استفاده از تکنیک PCR برای تعیین میزان شیوع سویه‌های MRSA استفاده شده، مشخص شده که، شناسایی مولکولی به دلیل صحت، سرعت و حساسیت بالا، دارای ارزش بالایی برای شناسایی سویه‌های MRSA می‌باشد [۲۲]. همچنین در کشور تایلند، نیز با استفاده از روش‌های فنوتیپیک و مولکولی (PCR ژن *mecA*) تعداد ۱۰۰ ایزوله استافیلوکوکوس اورئوس جدا شده از سواب بینی شناسایی شده که نشان می‌دهد با استفاده از روش‌های فنوتیپیک، امکان تفکیک سویه‌های حساس به متی‌سیلین از سویه‌های MRSA بسیار ناچیز بوده؛ بنابراین ضروری است که با استفاده از روش مولکولی حضور ژن *mecA* به عنوان شاخص مقاوم بودن مورد ارزیابی قرار گیرد [۲۳].

در مطالعه‌ای در ایران نشان داده شده است که ۸۸٪ ایزوله‌های بالینی استافیلوکوکوس اورئوس MRSA می‌باشند و تأکید شده است که شیوع MRSA در ایران رو به افزایش می‌باشد [۲۳]. همچنین اشاره شده است که بیان هتروژن مقاومت به متی‌سیلین در بین سویه‌های استافیلوکوکوس اورئوس می‌تواند ارزیابی میزان مقاومت را با استفاده از روش‌های فنوتیپیک با چالش جدی مواجه کند [۲۴، ۳]. بر این اساس است که شناسایی حضور ژن *mecA* به عنوان استاندارد طلایی مطرح است [۱۷]. در مطالعه حاضر نیز از شناسایی ژن *mecA* به عنوان روش تأییدی استفاده گردید و نتایج بدست آمده از روش فنوتیپیک را مورد تأیید قرار داد. چنانچه نتایج پژوهش حاضر نشان دادند در نمونه‌های مقاوم به متی‌سیلین نیز ژن *mecA* شناسایی شد که موافق با نتایج پژوهش‌های پیشین می‌باشد. صدیقی و همکاران در سال ۲۰۱۱، میزان شیوع MRSA در بینی کودکان در مراکز نگهداری کودکان در همدان را ۴/۱٪ گزارش کردند. در مطالعات دیگر نیز بیان شده که، میزان مقاومت در نقاط مختلف از جمله تهران، همدان، شیراز، بابل و سایر نقاط، تفاوت‌هایی داشته است؛ چنانچه در مطالعه‌ای در سال ۱۳۸۰ در شهر تهران، شیوع MRSA ۳۳/۴٪ اعلام گردید. در مطالعه دیگری که در سال ۱۳۸۳ در شهر تهران انجام شد MRSA ۳۹٪ گزارش شد. در مطالعه‌ای در همدان، مشخص گردید که شیوع MRSA ۵۰٪ می‌باشد. در مطالعه دیگری که در سال ۱۳۸۵ در بابل انجام گرفت شیوع MRSA ۴۲٪ و در بررسی سال ۱۳۸۶ در تهران MRSA ۴۷/۶٪ مشخص گردید. این نتایج به این نکته اشاره دارند که شیوع سویه‌های MRSA با گذشت زمان در کشور ما نیز رو به افزایش است [۱]. مطالعات متعددی در ارتباط با مقاومت به موپروسین در سویه‌های

آنتی‌بیوتیک‌ها، باید از تجویز بدون نسخه و استفاده غیر ضروری از آنتی‌بیوتیک‌ها خودداری نمود.

اپیدمیولوژی بیماری‌های عفونی در منطقه و شهرستان داراب را ارتقا ببخشد.

تشکر و قدردانی:

این مقاله حاصل پایان نامه کارشناسی ارشد میکروبی‌شناسی دانشگاه آزاد اسلامی واحد چهرم است. نویسندگان لازم می‌دانند از زحمات کلیه پرنسپل آزمایشگاه بیمارستان داراب تشکر و قدردانی کنند.

نتیجه‌گیری:

نتایج حاصل از این مطالعه نشان دهنده وجود سویه‌های استافیلوکوکوس اورئوس مقاوم نسبت به متی‌سیلین و موپیروسین است. با توجه به افزایش روز افزون مقاومت نسبت به

References:

1. Kwon NH, Park KT, Moon JS, Jung WK, Kim SH, Kim JM, et al. Staphylococcal cassette chromosome mec (SCC mec) characterization and molecular analysis for methicillin-resistant *Staphylococcus aureus* and novel SCC mec subtype IVg isolated from bovine milk in Korea. *Journal of Antimicrobial Chemotherapy*. 2005;56(4):624-32.
2. Chan CX, Beiko RG, Ragan MA. Lateral transfer of genes and gene fragments in *Staphylococcus* extends beyond mobile elements. *Journal of bacteriology*. 2011;193(15):3964-77.
3. Sakoulas G, Gold HS, Venkataraman L, DeGirolami PC, Eliopoulos GM, Qian Q. Methicillin-resistant *Staphylococcus aureus*: comparison of susceptibility testing methods and analysis of mecA-positive susceptible strains. *Journal of clinical microbiology*. 2001;39(11):3946-51.
4. Diekema D, Pfaller M, Schmitz F, Smayevsky J, Bell J, Jones R, et al. Survey of infections due to *Staphylococcus* species: frequency of occurrence and antimicrobial susceptibility of isolates collected in the United States, Canada, Latin America, Europe, and the Western Pacific region for the SENTRY Antimicrobial Surveillance Program, 1997–1999. *Clinical Infectious Diseases*. 2001;32 (Supplement 2):S114-S32.
5. Naimi TS, LeDell KH, Boxrud DJ, Groom AV, Steward CD, Johnson SK, et al. Epidemiology and clonality of community-acquired methicillin-resistant *Staphylococcus aureus* in Minnesota, 1996–1998. *Clinical Infectious Diseases*. 2001;33(7):990-6.
6. Dufour P, Gillet Y, Bes M, Lina G, Vandenesch F, Floret D, et al. Community-acquired methicillin-resistant *Staphylococcus aureus* infections in France: emergence of a single clone that produces Panton-Valentine leukocidin. *Clinical Infectious Diseases*. 2002;35(7):819-24.
7. Ghadiri K. Nasal carriage rate of community- and hospital-acquired methicillin-resistant *Staphylococcus aureus* in children, Kermanshah, Iran. *Archives of Clinical Infectious Diseases*. 2012;6(3):117-20.
8. Somayeh Ra, Mehdi A, Fatemeh C, Sara, Abolfazl A, Fatemeh Sh, et al. Frequency of methicillin-resistant *Staphylococcus aureus* carriers in Gorgan Hospital Personnel 1387-1388.
9. Saderi H, Owlia P, Zafarghandi N. Evaluation of antibiotic resistance in *Staphylococcus Aureus* isolated from nose of two teaching hospitals staff of Shahed University. *Journal of Mazandaran University of Medical Sciences*. 2004;14(42):69-75.
10. Murray PR, Rosenthal KS, Pfaller MA. *Medical microbiology*: Elsevier Health Sciences; 2015.
11. Deurenberg RH, Vink C, Kalenic S, Friedrich A, Bruggeman C, Stobberingh E. The molecular evolution of methicillin-resistant *Staphylococcus aureus*. *Clinical Microbiology and Infection*. 2007;13(3):222-35.
12. Do kar J, Pallová P, Pantucek R, Rosypal S, Ruzicková V, Pantucková P, et al. Genomic relatedness of *Staphylococcus aureus* phages of the International Typing Set and detection of serogroup A, B, and F prophages in lysogenic strains. *Canadian journal of microbiology*. 2000;46(11):1066-76.
13. Enright MC, Robinson DA, Randle G, Feil EJ, Grundmann H, Spratt BG. The evolutionary history of methicillin-resistant *Staphylococcus aureus* (MRSA). *Proceedings of the National Academy of Sciences*. 2002;99(11):7687-92.
14. Gesualdo F, Onori M, Bongiorno D, Campanile F, Carloni E, Mancinelli L, et al. Methicillin-resistant *Staphylococcus aureus* nasal colonization in a department of pediatrics: a cross-sectional study. *Italian journal of pediatrics*. 2014;40(1):3.
15. Deresinski S. Methicillin-resistant *Staphylococcus aureus*: an evolutionary, epidemiologic, and therapeutic odyssey. *Clinical infectious diseases*. 2005;40(4):562-73.
16. Brown DF. Detection of methicillin/oxacillin resistance in staphylococci. *Journal of Antimicrobial Chemotherapy*. 2001;48(suppl_1):65-70.
17. Sajith Khan A, Shetty PJ, Lakshmi Sarayu Y, Chidambaram A, Ranganathan R. Detection of mecA genes of methicillin-resistant *Staphylococcus aureus* by polymerase chain reaction. *International Journal of Health and Rehabilitation Sciences (IJHRS)*. 2012;1(2):64-8.
18. Hesami S, Hosseini SD, Amouzandeh-Nobaveh A, Eskandari S, Ghaznavi-Rad E. Phenotypic and genotypic determination of mupirocin resistance among methicillin susceptibility and resistance in *Staphylococci* isolated from nosocomial infections. *Journal of Mazandaran University of Medical Sciences*. 2014;23(1):30-9.
19. Rahimi F, Bouzari M, Katouli M, Pourshafie MR. Prophage and antibiotic resistance profiles of

- methicillin-resistant *Staphylococcus aureus* strains in Iran. *Archives of virology*. 2012;157(9):1807-11.
20. Steele RW. *Clinical Handbook of Pediatric Infectious Disease*: CRC Press; 2007.
21. Martínez L, Oncale AD, Oncale MB, Corbin A, Nathaniel R. Nasal Carriage Rates of Methicillin Resistant *Staphylococcus aureus* in Healthy Individuals from a Rural Community in Southeastern United States. *World Journal of Medical Sciences*. 2009;4(2):65-9.
22. Pantůček R, Doškař J, Růžičková V, Kašpárek P, Oráčová E, Kvardova V, et al. Identification of bacteriophage types and their carriage in *Staphylococcus aureus*. *Archives of virology*. 2004;149(9):1689-703.
23. Rahimi-Alang S, Asmar M, Cheraghali F, Yazarlou S, Amini A, Shakeri F, et al. Frequency of methicillin resistant *Staphylococcus aureus* in health care. *Zahedan Journal of Research in Medical Sciences*. 2011;13(1):17-22.
24. Sarmadian H, Didgar F, Abtahi H. The comparison of topical nasal Mupirocin and single dose of oral Ciprofloxacin in treatment and reinfection of *Staphylococcus Aureus* carriers in personnel of Vali-e-asr hospital, Arak, 2004. 2008.
25. Francois P, Renzi G, Pittet D, Bento M, Lew D, Harbarth S, et al. A novel multiplex real-time PCR assay for rapid typing of major staphylococcal cassette chromosome mec elements. *Journal of clinical microbiology*. 2004;42(7):3309-12.
26. Yun H-J, Lee SW, Yoon GM, Kim SY, Choi S, Lee YS, et al. Prevalence and mechanisms of low-and high-level mupirocin resistance in staphylococci isolated from a Korean hospital. *Journal of Antimicrobial Chemotherapy*. 2003;51(3):619-23.
27. Mohajeri P, Gholamine B, Rezaei M, Khamisabadi Y. Frequency of Mupirocin resistant *Staphylococcus aureus* strains isolated from nasal carriers in hospital patients in Kermanshah. *Jundishapur Journal of Microbiology*. 2012;5(4):560-3.
28. Saderi H, Owlia P, Eslami M. Prevalence of Macrolide-Lincosamide-Streptogramin B (MLSB) resistance in *S. aureus* isolated from patients in Tehran, Iran. *Iranian journal of pathology*. 2009;4(4):161-6.

Methicillin and Mupirocin resistance genes in *Staphylococcus aureus* isolated from hospital staff in Darab by using of Multiplex

Houshang Jamali^{1*}

Received: 2018.10.24

Revised: 2020.01.07

Accepted: 2020.01.13

1. Department of Microbiology, Jahrom Branch, Islamic Azad University, Jahrom, Iran

Pars Journal of Medical Sciences, Vol.17, No.3, Fall 2019

Pars J Med Sci 2019;17(3):35-42

Abstract:

Introduction:

Methicillin and Mupirocin –resistance *Staphylococcus aureus* (MRSA) are considered as the important hospital pathogens. One of the important resources of this organism in nosocomial infection is related to hospital personnel. The objective of this research was is to investigate the frequency of MRSA gene in *staphylococcus aureus* isolated from Hospital staff in Darab by multiplex PCR.

Materials and Methods:

In this study, 150 hospital staffs were investigated and specimens of *staphylococcus aureus* which isolated from those were confirmed by biochemical and microbial methods. The disk diffusion method was used to determine the susceptibility of the isolates to methicillin and mupirocin antibiotic. Then, the presence of *mec-A*, *mup* and *nuc* genes were investigated by using of Multiplex PCR method.

Results:

Among of 150 subjects investigated, 120 ones (80%) were female. Totally, 53 people (35.3%) were carriers of *Staphylococcus aureus* which 42 and 11 were female and male, respectively. Among of the 11 *staphylococcus aureus* isolated in men, 4 cases were methicillin-resistant and any of them were not mupirocin-resistant. Of the 42 *staphylococcus aureus* isolated in women studied, 11 cases were methicillin-resistant and 2 cases were mupirocin-resistant. Using of molecular method, 11 isolates (9.5%) were contained *mec-A* gene and any of isolates were not contained *mup* gen.

Conclusion:

The frequency of methicillin- and mupirocin-resistant *staphylococcus aureus* among the personnel of Darab Hospital was relatively low. However, permanent control of the carriers and treatment of them can prevent the spread of this bacterium and its associated infections.

Keywords: *Staphylococcus Aureus*, Mupirocin, Methicillin, Multiplex PCR, Antibiotic Resistance

* Corresponding author Email: h.jamali1970@gmail.com